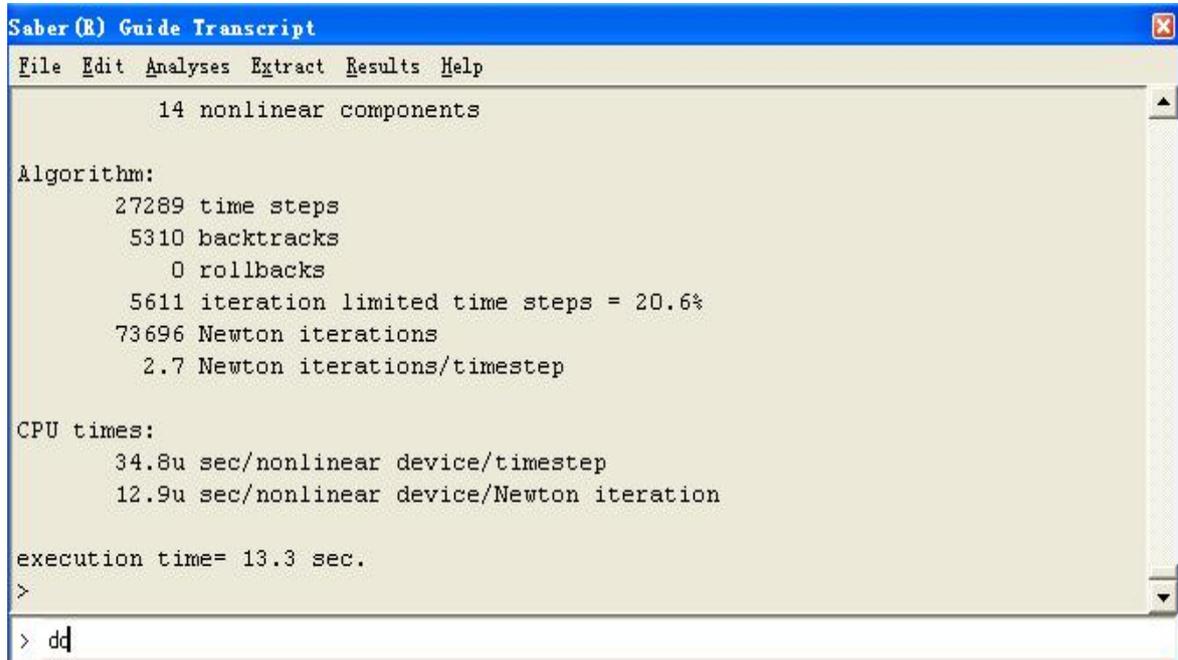


在 Saber 软件中,所有的分析命令如 DC,TR,DT,AC,MC,PZ 等都可以通过在命令行输入命令实现.具体方法是在 sakersketch 或者 saberguide 中,当执行完 simulate 命令之后,单击界面右上角的 cmd 图标,会弹出如下图所示的对话框.



```
Saber (R) Guide Transcript
File Edit Analyses Extract Results Help

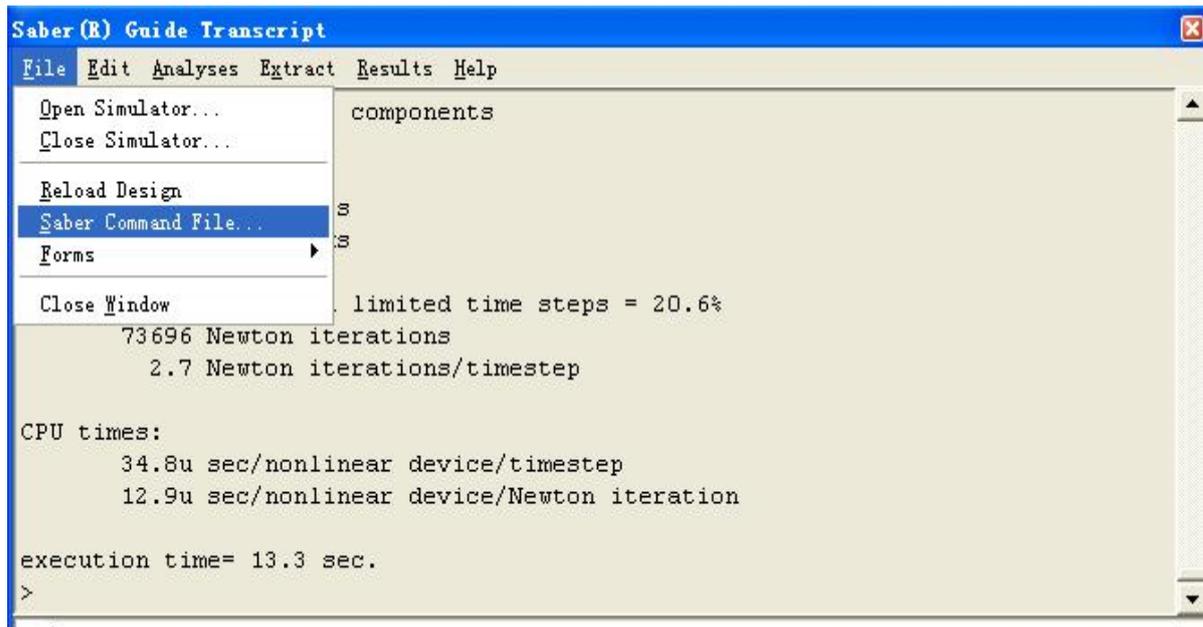
      14 nonlinear components

Algorithm:
      27289 time steps
      5310 backtracks
         0 rollbacks
      5611 iteration limited time steps = 20.6%
      73696 Newton iterations
         2.7 Newton iterations/timestep

CPU times:
      34.8u sec/nonlinear device/timestep
      12.9u sec/nonlinear device/Newton iteration

execution time= 13.3 sec.
>
> dd
```

在对话框中可输出各种仿真命令,如:直接输入 dc 然后回车,可以执行 DC 分析.这种逐条输入分析命令的方法和通过鼠标选择各类分析设置对话框相比,并不具备优势,但 saber 提供了一个功能,可以批处理这些命令.即可以将要执行的命令编写成文件,然后通过 saber 软件调用该文件,执行文件中所描述的各种分析命令.通常,此类文件的尾缀都是 scs.在 sakersketch 或者 saberguide 中,可以通过命令行对话框的 file/saber command file 命令调用此类文件,如下图所示:



scs 测试文件有利于在不同用户交流验证模型,也可以通过编写 scs 文件完成复杂的测试过程.